

J'ai rejoint les laboratoires de recherche du CNRS après un premier séjour de deux ans aux Etats-Unis, il y a de cela près de trente ans. Depuis, j'ai évolué au sein du CNRS et obtenu le poste de Directeur de Recherche 1ère classe en 2015. Je dirige depuis 2011 le laboratoire CNRS « Bacterial Pathogenesis and Cellular Responses », ERL5261 attaché à l'INSERM, CEA et Université Grenoble Alpes. Microbiologiste de formation et spécialisée en bactériologie infectieuse et interactions hôte-pathogène, j'ai contribué au cours des dix dernières années aux avancées de nos activités et à la reconnaissance de notre laboratoire aux niveaux local, national et international à travers des projets collaboratifs, des articles évalués par nos pairs (> 80 articles, 2 brevets) et des rencontres internationales. J'ai également été membre actif du réseau national GDR « *Pseudomonas* », du conseil scientifique du programme Doctorale de l'Université Grenoble Alpes et du Laboratoire d'Excellence «GRAL». Consciente des avancées technologiques rapides, notamment au niveau de la génomique, de la génétique, des technologies CRISPR-Cas, du séquençage de nouvelle génération, etc., j'ai trouvé nécessaire de me former dans une institution à la pointe de la science. À cette fin, j'ai pris une année sabbatique/ mise à disposition accordée par CNRS/ à Harvard Medical School en 2014-2015. Cette expérience internationale inédite a été riche scientifiquement et m'a aidée à appréhender de nouveaux défis après mon retour en France. Suite à une évaluation HCERES en «Vague A» l'année dernière, mon équipe rejoindra l'Institut de Biologie Structurale de Grenoble, l'UMR5075, en 2021.

Autres responsabilités exercées

Directrice ERL5261 (2011-2021)

Directrice adjointe UMR_S1036 INSERM/CEA/UGA (2011-2021)

Principales publications

- **Quinaud, M., Ple, S., Job, V., Contreras-Martel, C., Simorre, P., Attree, I., & Dessen, A. (2007)** Structure of the heterotrimeric complex which regulates type III secretion needle formation. *Proc Natl Acad Sci USA*, 104, 7803-7808.
- **Gendrin C, Contreras-Martel C, Bouillot S, Elsen S, Lemaire D, Skoufias DA, Huber P, Attree I & Dessen A. 2012.** Structural basis of cytotoxicity mediated by the type III secretion toxin ExoU from *Pseudomonas aeruginosa*. *PLOS Patho*, 8(4):e1002637.
- **Robert-Genthon, M., Casabona, MG., Neves, D., Couté, Y., Cicéron, F., Elsen, S., Dessen, A. and Attree, I. 2013.** Unique Features of a *Pseudomonas aeruginosa* α2-Macroglobulin Homolog. *mBio*, 4(4), DOI 10.1128/mBio.00309-13.
- **Elsen, S., Huber, P., Bouillot, S., Couté, Y., Fournier, P., Dubois, Y., Timsit, JF., Maurin, M. and Attree, I. 2014.** A type III secretion negative clinical strain of *Pseudomonas aeruginosa* employs a two-partner secreted Exolysin to induce hemorrhagic pneumonia. *Cell Host Microbe*, 15(2):164-76.
- **Menage, S. and Attree, I. 2014.** Pathogens love the poison. *Nature Chemical Biology*, Apr 17;10(5):326-7.
- **Monlezun L, Liebl D, Fenel D, Grandjean T, Berry A, Schoehn G, Dessein R, Faudry E, Attree I. 2015.** PscI is a type III secretion needle anchoring protein with *in vitro* polymerization capacities. *Mol Microbiol*. 96(2):419-36.
- **Basso P, Ragno M, Elsen S, Reboud E, Golovkine G, Bouillot S, Huber P, Lory S, Faudry E and Attree I. 2017.** *Pseudomonas aeruginosa* pore-forming exolysin and type IV pili cooperate to induce host cell lysis. *mBio*, 8(1).
- **Sentausa E, Basso P, Berry A, Adrait A, Bellement G, Coute Y, Lory S, Elsen* S, and Attree* I. 2019.** Insertion sequences drive the emergence of a highly adapted human pathogen. *Microbial Genomics*. doi: 10.1099/mgen.0.000265
- **Trouillon J, Sentausa E, Ragno M, Robert-Genthon M, Lory S, Attree I, Elsen S. 2020.** Species-specific recruitment of transcription factors dictates toxin expression *Nucleic Acids Res.*, 48(5):2388-2400. doi: 10.1093/nar/gkz1232
- **Pont S, Fraikin N, Caspar Y, Van Melderden L, Attree*, I. and Cretin*, F. 2020.** Bacterial behavior in human blood reveals presence of complement evaders with persister-like features. *bioRxiv* 2020.08.18.255448; doi: <https://doi.org/10.1101/2020.08.18.255448>, *PLOS Pathogens*.